

# 10. Feladat – Legrövidebb közös superstring gyorsítása

Töltsük be az alábbi állományt:

[https://d28rh4a8wq0iu5.cloudfront.net/ads1/data/ads1\\_week4\\_reads.fq](https://d28rh4a8wq0iu5.cloudfront.net/ads1/data/ads1_week4_reads.fq)

Szereljük össze ezeket az olvasásokat. Mivel sok olvasás van, szükség lesz tovább gyorsítani a mohó algoritmust.

Használjuk ehhez az alábbi függvényt, és írjuk át, hogy a legnagyobb átfedésű párt adja vissza és ezt használjuk a mohó legrövidebb közös superstring algoritmusához:

<https://bioinformcourse-lkpeter.notebooks.azure.com/j/notebooks/11.ipynb>

A genom hossza 15,000 - 17,000 közt lesz az összeszerelés után.